

**Supplementary Table S1.** Overview of all the proteins identified for the 50 mg protein input EGFR del-SH-TAP full pull-downs at varying percentages of injected eluate volume (3, 5, 10, 20%). Keratins have been excluded, trypsin is shown in grey. PCT (peptide counts), SCT (spectral counts), SCV (percent sequence coverage), SD (standard deviation), CV (coefficient of variation).

Accession ID	Gene Symbol	Description	PCT														SCT														SCV														LOCAL PCT	LOCAL SCT	LOCAL SCV																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																												
			50mg 3%				50mg 5%				50mg 10%				50mg 20%				50mg 3%				50mg 5%				50mg 10%				50mg 20%				50mg 3%				50mg 5%				50mg 10%					50mg 20%																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																											
			42	46	47	48	45	45	52	49	48	47	55	53	43	46	58	47.07	0.25	0.07	218	188	281	249	275	287	403	396	394	376	411	354	274	350	9468	318.29	74	0.22	0.46	0.47	0.45	0.46	0.46	0.5				0.46	0.49	0.46	0.51	0.52	0.44	0.47	0.54	0.47	0.02	0.05	58	4456	0.54																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																														
P10023	EGFR	Epidermal growth factor receptor	17	7	6	1	10	9	8	8	6	6	10	12	9	6	10	12.93	0.12	0.12	95	107	112	140	144	195	171	120	171	187	137	135	157	2038	144.14	12.7	0.21	0.42	0.42	0.38	0.42	0.35	0.42	0.42	0.49	0.34	0.38	0.41	0.38	0.49	0.38	0.47	0.47	0.05	0.07	1	248	0.53																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																	
P11021	GDP7C	70 kDa glucose-regulated protein	17	17	19	18	19	20	21	18	18	18	17	17	15	23	17.93	0.40	0.08	38	31	35	36	48	54	69	52	63	57	53	60	52	38	586	49	11.68	0.24	0.34	0.35	0.39	0.38	0.39	0.39	0.38	0.35	0.36	0.37	0.35	0.37	0.37	0.32	0.40	0.36	0.02	0.06	23	686	0.42																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																	
P11142-1	HSP7C	Heat shock cognate 71 kDa protein	12	9	12	13	9	12	14	12	11	10	11	10	11	12	18	11.29	1.44	0.13	22	18	21	25	20	28	43	38	20	24	24	23	23	24	353	25.21	7	0.28	0.22	0.15	0.22	0.24	0.16	0.2	0.24	0.21	0.17	0.18	0.19	0.17	0.22	0.25	0.34	0.2	0.03	0.15	18	353	0.34																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																
Q8T142	UBR3B	Ubiquitin-associated and SH3 domain-containing protein B	10	11	12	13	13	11	18	15	11	10	15	15	11	11	20	12.57	2.38	0.19	16	17	21	23	26	18	35	27	24	21	27	30	22	25	332	23.71	5.2	0.22	0.19	0.21	0.26	0.27	0.21	0.21	0.36	0.28	0.21	0.17	0.14	0.31	0.25	0.25	0.41	0.25	0.06	0.23	20	332	0.43																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																
P62953-3	GRIK3	Growth factor receptor bound protein-2	7	6	6	9	6	8	6	6	8	8	6	7	9	7.21	1.05	0.15	18	13	17	18	27	23	18	20	30	32	33	21	20	19	297	71.21	5.22	0.25	0.41	0.28	0.46	0.27	0.49	0.28	0.43	0.37	0.35	0.45	0.46	0.26	0.46	0.4	0.48	0.38	0.08	0.21	9	297	0.48																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																		
P08107	HSP71	Heat shock 70 kDa protein 1	6	5	5	6	7	8	9	7	6	6	7	7	5	13	6.64	1.34	0.2	12	10	9	14	11	14	26	24	13	14	16	14	12	8	197	14.07	5.14	0.36	0.12	0.1	0.1	0.12	0.13	0.15	0.17	0.17	0.14	0.12	0.12	0.14	0.14	0.1	0.25	0.13	0.02	0.18	13	197	0.25																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																	
Q91M43	SHB	SHB receptor feedback inhibitor-1	4	4	4	5	7	8	10	9	8	6	8	5	7	11	6.64	1.96	0.3	5	1	4	6	8	9	18	12	12	9	14	18	14	10	144	10.39	4.6	0.46	0.11	0.14	0.14	0.17	0.23	0.27	0.31	0.28	0.23	0.2	0.19	0.26	0.15	0.23	0.13	0.23	0.06	0.29	11	144	0.31																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																	
P34931	HSP7L	Heat shock 70 kDa protein 7L	4	3	3	4	3	5	5	6	3	3	4	3	7	3.79	0.97	0.26	8	7	6	12	6	10	20	21	6	8	9	9	9	5	136	9.71	4.94	0.51	0.08	0.08	0.12	0.07	0.15	0.08	0.07	0.12	0.15	0.15	0.15	0.08	0.19	0.19	0.12	0.04	0.35	5	98	0.19																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																			
P68183	TBA1B	Tubulin alpha-1B chain	5	3	3	1	6	2	5	5	6	5	7	8	6	10	5	1.71	0.34	7	5	3	8	2	8	6	9	6	10	12	9	8	96	6.86	2.88	0.45	0.18	0.11	0.12	0.11	0.2	0.08	0.15	0.15	0.2	0.17	0.24	0.26	0.2	0.2	0.12	0.17	0.05	0.32	10	96	0.32																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																		
P07905-1	HSP9A	Heat shock protein HSP 90-alpha	5	4	3	4	5	4	5	6	4	4	4	5	4	3	10	4.29	0.83	0.19	7	5	4	6	5	8	7	6	5	8	7	6	4	81	5.79	1.53	0.26	0.08	0.06	0.05	0.07	0.08	0.07	0.08	0.1	0.07	0.07	0.09	0.06	0.08	0.15	0.07	0.01	0.19	10	81	0.15																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																		
P01437	TBRC	Tubulin beta chain	0	0	2	2	5	4	4	3	3	3	6	4	5	9	3.07	0.77	0.58	0	0	2	4	8	7	4	7	9	6	10	10	11	80	5.71	1.75	0.68	0	0	0.07	0.05	0.05	0.14	0.1	0.1	0.08	0.08	0.09	0.18	0.12	0.16	0.25	0.09	0.05	0.61	9	80	0.25																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																		
P68371	TBRC2	Tubulin beta-2C chain	0	0	2	2	4	4	2	2	2	3	5	3	4	8	2.64	1.5	0.57	0	0	2	2	4	7	4	5	8	6	9	7	8	69	4.93	3	0.61	0	0	0.07	0.05	0.05	0.11	0.1	0.1	0.05	0.05	0.09	0.15	0.09	0.13	0.22	0.08	0.05	0.6	8	69	0.22																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																		
P12236	ADP1B	ADP/ATP translocase 3	0	0	3	2	2	0	2	2	2	2	0	2	3	15	1.02	0.68	0	0	6	3	4	0	7	4	5	5	9	6	0	9	58	4.34	1.21	0.77	0	0	0.12	0.07	0.07	0	0.07	0.07	0.07	0.07	0.07	0.07	0	0.07	0.12	0.04	0.04	0.69	3	58	0.12																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																		
P08238	HSP9B	Heat shock protein HSP 90-beta	2	3	0	1	2	3	3	2	0	2	2	2	0	8	1.79	1.05	0.59	2	4	0	2	3	3	4	2	0	2	2	3	2	0	29	2.07	1.33	0.66	0.03	0.05	0	0.03	0.03	0.05	0.04	0	0.04	0.04	0.04	0	0.12	0.03	0.03	0.57	8	29	0.12																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																			
P62886	UBC9	Ubiquitin	0	0	0	0	2	3	2	0	3	0	0	2	0	3	1.07	1.31	1.24	0	0	0	0	0	3	4	3	0	3	5	0	0	4	0	22	1.57	1.95	1.24	0	0	0	0.33	0.45	0.24	0	0.45	0.45	0	0	0.33	0	0.45	0.36	0.2	1.25	3	22	0.45																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																	
P42577	SD27	60S ribosomal protein S27	2	2	0	0	2	2	2	2	0	0	0	0	2	1.14	1.03	0.9	4	3	0	0	2	2	3	3	2	3	0	0	0	0	22	1.57	1.5	0.88	0.23	0.23	0.23	0.21	0.21	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23	0.23