

Fred Wang-Fat Lee (2013) Cellular Protein/Peptide Expression Profiles (PEPs): an alternative approach for easy identification of cyanobacterial species. *Journal of Integrated Omics*.

Supplementary material - Figure S1 - The 16S-23S internal transcribed spacer (ITS) sequences of 4 strains of *Synechococcus sp.* Nucleotides highlighted with dotted lines represent the differences among the 4 strains.

```

      *      20      *      40      *      60      *      80      *      100      *
7820 : CAGGGAGACACACAATGATTTGATGCCTGAGTACTTTATTCTTAGGTCAGAATCTGTACCTTAGGTCGATCGGTACCTCAGCTTTGATTTTATCGAATTTGTAGCAAT
562 : CAGGGAGACACACAATGATTTGATGCCTGAGTACTTTATTCTTAGGTCAGAATCTGTACCTTAGGTCGATCGGTACCTCAGCTTTGATTTTATCGAATTTGTAGCAAT
460 : CAGGGAGACACACAATGATTTGATGCCTGAGTACTTTATTCTTAGGTCAGAATCTGTACCTTAGGTCGATCGGTACCTCAGCTTTGATTTTATCGAATTTGTAGCAAT
940 : CAGGGAGACACACAATGATTTGATGCCTGAGTACTTTATTCTTAGGTCAGAATCTGTACCTTAGGTCGATCGGTACCTCAGCTTTGATTTTATCGAATTTGTAGCAAT

      120      *      140      *      160      *      180      *      200      *      220
7820 : GCAAATGAGGATGAAATCAATTCTTAGTTCTAACTTTGTCTAGGTCACACCCCAAAGGGATGAGACTCCTGGGCCATTAGCTCAGTGGTTAGAGCGCACCCCTGATAA
562 : GCAAATGAGGATGAAATCAATTCTTAGTTCTAACTTTGTCTAGGTCACACCCCAAAGGGATGAGACTCCTGGGCCATTAGCTCAGTGGTTAGAGCGCACCCCTGATAA
460 : GCAAATGAGGATGAAATCAATTCTTAGTTCTAACTTTGTCTAGGTCACACCCCAAAGGGATGAGACTCCTGGGCCATTAGCTCAGTGGTTAGAGCGCACCCCTGATAA
940 : GCAAATGAGGATGAAATCAATTCTTAGTTCTAACTTTGTCTAGGTCACACCCCAAAGGGATGAGACTCCTGGGCCATTAGCTCAGTGGTTAGAGCGCACCCCTGATAA

      *      240      *      260      *      280      *      300      *      320      *
7820 : GGGTGAGGTCCTCGTTCAAGTCCAGGATGGCCCATTCGGTGTGGGGGTTTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCCTGCTTTCGAAGCAGGATGTCAGGAGTTCGAGTCTCCTAAC
562 : GGGTGAGGTCCTCGTTCAAGTCCAGGATGGCCCATTCGGTGTGGGGGTTTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCCTGCTTTCGAAGCAGGATGTCAGGAGTTCGAGTCTCCTAAC
460 : GGGTGAGGTCCTCGTTCAAGTCCAGGATGGCCCATTCGGTGTGGGGGTTTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCCTGCTTTCGAAGCAGGATGTCAGGAGTTCGAGTCTCCTAAC
940 : GGGTGAGGTCCTCGTTCAAGTCCAGGATGGCCCATTCGGTGTGGGGGTTTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCCTGCTTTCGAAGCAGGATGTCAGGAGTTCGAGTCTCCTAAC

      340      *      360      *      380      *      400      *      420      *      440
7820 : CTCCTACTGACCGAACGTGATCCCAGCTTCTTAATTTTAGGAGTTGAGTGATTTTGGTGTGTGATTGGATGTGTCGCTAGAGACCCAGCTTCCTGTCTGAGAATC
562 : CTCCTACTGACCGAACGTGATCCCAGCTTCTTAATTTTAGGAGTTGAGTGATTTTGGTGTGTGATTGGATGTGTCGCTAGAGACCCAGCTTCCTGTCTGAGAATC
460 : CTCCTACTGACCGAACGTGATCCCAGCTTCTTAATTTTAGGAGTTGAGTGATTTTGGTGTGTGATTGGATGTGTCGCTAGAGACCCAGCTTCCTGTCTGAGAATC
940 : CTCCTACTGACCGAACGTGATCCCAGCTTCTTAATTTTAGGAGTTGAGTGATTTTGGTGTGTGATTGGATGTGTCGCTAGAGACCCAGCTTCCTGTCTGAGAATC

      *      460      *      480      *      500      *      520      *      540      *      560
7820 : AAGCTTGCTTGTTTTGAGTTGATAAGATGCTGGGCTCGGATCAACCGTCAATGGTATCGCGAGATAACTTTGATGGCTTGATTTGATGTCGGCAGAACCTTGACAACCTG
562 : AAGCTTGCTTGTTTTGAGTTGATAAGATGCTGGGCTCGGATCAACCGTCAATGGTATCGCGAGATAACTTTGATGGCTTGATTTGATGTCGGCAGAACCTTGACAACCTG
460 : AAGCTTGCTTGTTTTGAGTTGATAAGATGCTGGGCTCGGATCAACCGTCAATGGTATCGCGAGATAACTTTGATGGCTTGATTTGATGTCGGCAGAACCTTGACAACCTG
940 : AAGCTTGCTTGTTTTGAGTTGATAAGATGCTGGGCTCGGATCAACCGTCAATGGTATCGCGAGATAACTTTGATGGCTTGATTTGATGTCGGCAGAACCTTGACAACCTG

      *      580      *      600      *      620      *      640      *      660      *
7820 : CATAGGTGAGTCTGGAAGAATAAAGCATCTCATGGATGATGCATTCTTTCAGTGCCTTGACCCGAAAGGGTGAAGGAAGTGAGAGGATGCGAATTCAGAGCAAGAGCCGA
562 : CATAGGTGAGTCTGGAAGAATAAAGCATCTCATGGATGATGCATTCTTTCAGTGCCTTGACCCGAAAGGGTGAAGGAAGTGAGAGGATGCGAATTCAGAGCAAGAGCCGA
460 : CATAGGTGAGTCTGGAAGAATAAAGCATCTCATGGATGATGCATTCTTTCAGTGCCTTGACCCGAAAGGGTGAAGGAAGTGAGAGGATGCGAATTCAGAGCAAGAGCCGA
940 : CATAGGTGAGTCTGGAAGAATAAAGCATCTCATGGATGATGCATTCTTTCAGTGCCTTGACCCGAAAGGGTGAAGGAAGTGAGAGGATGCGAATTCAGAGCAAGAGCCGA

      680      *      700      *      720      *      740      *      760      *      780
7820 : GACTCCATGATGTTCTTCTGCTTGTGTCGAGCAAGTGGGAGTTTGATTGTTGATTCGTAAGGAATCAGCGAGAATCTGTTTTCAACAACAGCAAGCATGATGGAGATTTAT
562 : GACTCCATGATGTTCTTCTGCTTGTGTCGAGCAAGTGGGAGTTTGATTGTTGATTCGTAAGGAATCAGCGAGAATCTGTTTTCAACAACAGCAAGCATGATGGAGATTTAT
460 : GACTCCATGATGTTCTTCTGCTTGTGTCGAGCAAGTGGGAGTTTGATTGTTGATTCGTAAGGAATCAGCGAGAATCTGTTTTCAACAACAGCAAGCATGATGGAGATTTAT
940 : GACTCCATGATGTTCTTCTGCTTGTGTCGAGCAAGTGGGAGTTTGATTGTTGATTCGTAAGGAATCAGCGAGAATCTGTTTTCAACAACAGCAAGCATGATGGAGATTTAT

7820 : TT
562 : TT
460 : TT
940 : TT

```